

СПОСОБ ПОЛУЧЕНИЯ РЕКОМБИНАНТНОГО ПРОИЗВОДНОГО ПОВЕРХНОСТНОГО АНТИГЕНА GС ХАНТАВИРУСОВ В КЛЕТКАХ E. COLI

Смирнова М.С.

ФГБУ «Институт полиомиелита и вирусных энцефалитов им. М.П. Чумакова» РАМН,
Москва, e-mail: mbarbotko@yandex.ru

На основе данных пептидного эпитопного картирования предложен пептид НТ, моделирующий иммунодоминантную область поверхностного гликопротеина Gс хантавируса Добрава. Создан искусственный многофункциональный слитой ген в составе зеленый флуоресцентный белок – пептид НТ – легкая цепь ингибитора протеаз из клубней картофеля РКPI-B1, наработан и очищен его продукт, исследованы его антигенные свойства с целью использования в иммунодиагностике хантавирусной инфекции. Показана возможность продукции слитого антигена НК6 на основе пептида НТ с выходом до 70 мг/л. Показано наличие у больных ГЛПС специфических антител, реагирующих с пептидом НТ. При этом сигналы положительных сывороток больных в 2–2,5 раза превышают сигнал сывороток здоровых доноров в том же разведении.

Ключевые слова: антиген, хантавирус, Добрава, эпитоп, пептид, рекомбинант, ГЛПС, GFP

PRODUCTION OF A RECOMBINANT HANTAVIRUS ENVELOPE GC PROTEIN DERIVATIVE IN E. COLI

Smirnova M.S.

Federal State Budgetary Institution «Chumakov Institute of Poliomyelitis and Viral Encephalitis»
of Russian Academy of Medical Sciences, Moscow, e-mail: mbarbotko@yandex.ru

HT peptide was derived from published peptide epitope mapping data with regard to model immune dominant region of Dobrava hantavirus envelope glycoprotein. An artificial multi-functional gene encoding green fluorescent protein – HT peptide – light chain of PKPI-B1 protease inhibitor from potato was engineered. The protein was produced, purified and tested as an antigen for specific anti-viral antibody discovery in HFRS patients. The yield of a fused HK6 derived from HT peptide attained 70 mg/l. Specific antibodies reacting with HT peptide were found in HFRS patient sera. The signal with the positive sera in indirect ELISA was 2–2,5-fold more than in the control healthy donor sera in the same dilution.

Keywords: antigen, hantavirus, Dobrava, epitope, peptide, recombinant, HFRS, GFP

В работе [4] методом эпитопного картирования с использованием синтетических пептидов в пределах белка Gс хантавируса Добрава выделена область, предположительно участвующая в формировании конформационно-зависимых эпитопов антител человека. Согласно данным работы [3], эта область находится на границе двух С-концевых доменов белка Gс, один из которых отвечает за димеризацию этого белка. С учётом данных обеих работ нами впервые предложена последовательность фрагмента белка Gс, не проявляющая токсичности по отношению к клеткам продуцента и пригодная для высокоэффективной экспрессии в *E. coli*. Этот пептид длиной 72 а.о. получил рабочее название НТ. **Целью работы** была разработка метода препаративного биосинтеза и очистки пептида НТ в виде трифункционального слитого производного и исследование его иммунохимических свойств.

Материалы и методы исследования

Получение экспрессионной конструкции. Для клонирования гена Gс использовался вирусный штамм Добрава Aa1854/Lipetsk из коллекции

лаборатории геморрагических лихорадок ИПВЭ РАМН, в форме суммарной клеточной РНК, выделенной из инфицированных в культуре клеток Vero. На матрице к ДНК, полученной со случайной затравкой, проведен ПЦР с праймерами Li4 (GGAGATCTCTAGCGGGGGCGCCGGAGGAATT) и HT12 (GGACTAGTATCAAAGTCAATGTCSTT), продукт обработан рестриктазой BglII. На матрице плазмиды pQE-GFP проведена ПЦР с использованием праймеров ECFP1 (GGGGATCCATGGTGAGCAAGGGCGAGGA) и ECFP2 (GGAGATCTCTTGTACAGCTCGTCCATGCC), продукт обработан рестриктазой BglII. Продукты рестрикции объединены и подвергнуты лигированию. На матрице продукта лигирования проведена ПЦР с праймерами ECFP1 и HT12. Продукт ПЦР очищен выделением из геля и подвергнут расщеплению рестриктазами BamHI и SpeI. Конструкция pQ-Kn1, представляющая собой ген РКPI-B1 (*S. tuberosum* сорт Истринский, номер доступа NCBI AY692479) на базе вектора pQE30, обработана рестриктазами SpeI и BamHI. Продукты реакции рестрикции объединены, подвергнуты лигированию и введены в клетки *E. coli* TG1 путем трансформации. Полученную промежуточную конструкцию расщепляли рестриктазой SpeI и лигировали с синтетическим ДНК-дуплексом, полученным путем смешения заранее фосфорилированных олигонуклеотидов CTAGCGGGGGCGCCGGAGGAATT и CTAGTTCGGGGCGCCCCCG с целью введения

линкерной последовательности на границе областей НТ и легкой С-концевой цепи белкового ингибитора РКР1-В1.

Результаты исследования и их обсуждение

С целью повышения выхода пептида НТ была получена конструкция, где этот пептид занимал центральное положение в составе трифункционального слитого белка. Такое положение является для него естественным, поскольку в составе полноразмерного белка Gc хантавируса Добрава последовательность пептида НТ находится в его центральной части. При этом N-концевое положение слитого продукта занимал зеленый флуоресцентный белок GFP [5], центральное – пептид НТ, а С-концевое – легкая цепь двуцепочечно-

го белкового ингибитора Кунитца из клубней картофеля (РКР1-В1) [2].

При сборке обеих этих конструкций использован вектор рQE30, содержащий умеренно сильный промотор T5. Это решение было продиктовано стремлением улучшить условия формирования пространственной структуры продукта за счет снижения интенсивности его накопления. Помимо меньшей интенсивности трансляции вектор рQE30 отличается от рЕТ23 наличием 6His-тага на N-конце кодируемого им рекомбинантного продукта [1]. Нельзя исключать, что этот элемент, обладающий высокой гидрофильностью, также может препятствовать агрегации белка в процессе формирования его пространственной структуры и этим способствовать его накоплению продукта в нативной конформации.

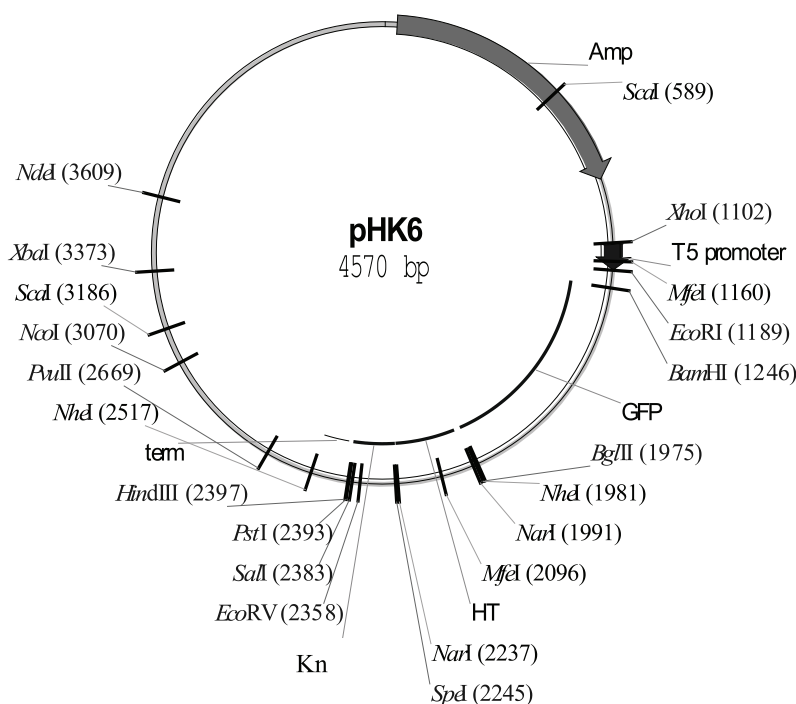


Рис. 1. Плазмидная конструкция рHK6: принципиальная схема

С той же целью на границы доменов GFP, НТ и РКР1-В1 конструируемого трифункционального слитого белка были введены искусственные гибкие пептидные линкеры, обогащенные Gly, Ser и Ala, кодируемые синтетическими олигонуклеотидами. Кроме того, при конструировании новой плазмиды ген пептида НТ был укорочен на 40 п.н. с 3'-конца, что, согласно данным статьи [3], не сказывается на иммунохимических свойствах белка, но позволяет сократить в нем число дисульфидных связей и гидрофобных участков, способствуя улучшению растворимости продукта,

и ослабляя его негативное влияние на жизнеспособность клеток продуцента.

Полученная экспрессионная конструкция на базе вектора рQE30 получила обозначение рHK6 (рис. 1 и 2).

Экспрессия и анализ выхода белка. Конструкцию рHK6 вводили в клетки штамма *E. coli* TG1, отбирая ампициллин-устойчивые колонии. Полученный продуцент культивировали при 30°C в жидкой среде (0,5% дрожжевой экстракт, 1% пептон, 0,5% NaCl) с добавлением 100 мкг/мл ампициллина в колбах Эрленмейера в течение 14–18 часов. Оценку выхода целевого про-

дукта осуществляли с помощью электрофоретического анализа суммарных белков рекомбинантного продуцента по Лэммли. Для этого из грубого клеточного лизата каждой культуры отбирали по 100 мкл. Лизат подвергали центрифугированию при 14000 G. в течение 15 мин и разделяли растворимую и нерастворимую клеточную фракции. Белки солибилизировали в 30 мкл

буфере Лэммли и анализировали состав белков с помощью денатурирующего SDS-электрофореза в 15% ПААГ (рис. 3). Проведенный анализ показал, что трифункциональный слитой белок на основе пептида НТ – продукт конструкции рНК6, как и свободный пептид НТ накапливается в нерастворимой клеточной фракции, с выходом около 40 мг/л культуры.

```

10      20      30      40      50      60      70      80
AAATCATAAAAATTTATTTGCTTTGTGAGCGGATAACAATTTATAATAGATTCAATTGTGAGCGGATAACAATTTTCACAC

EcoRI      100      110      120      130      140 BamHI      160
AGGAATTCATTTAAAGAGGAGAAATTAACSTATGAGAGGATCGCATCACCATCACCATCACGGATCCGTGAGCATGGTGAGCA
      M R G S H H H H H H G S V S M V S
170      180      190      200      210      220      230      240
AGGGCGAGGAGCTGTTACCCGGGGTGGTGCCTCTGGTTCGAGCTGGACGGCGACGTAACCGGCCACAAGTTCAGCGTGC
K G E E L F T G V V P I L V E L D G D V N G H K F S V
250      260      270      280      290      300      310      320
TCCGGCGAGGGCGAGGGCGATGCCACCTACGGCAAGCTGACCTGAAGTTCATCTGCACCCGGCAAGCTGCCCGTGC
S G E G E G D A T Y G K L T L K F I C T T G K L P V P
330      340      350      360      370      380      390      400
CTGGCCACCTCGTGACCACCTGACCTGGGGCGTGCAGTGTCTCAGCCGCTACCCCGACCACATGAAGCAGCAGCACT
W P T L V T T L T W G V Q C F S R Y P D H M K Q H D
410      420      430      440      450      460      470      480
TCTTCAAGTCCGCCATGCCCGAAGGCTACGTCCAGGACGCACCATCTTCTTCAAGGACGACGGCAACTACAAGACCCGC
F F K S A M P E G Y V Q E R T I F F K D D G N Y K T R
490      500      510      520      530      540      550      560
GCCGAGGTGAAGTTCGAGGGCGACACCTGGTGAACCGCATCGAGCTGAAGGGCATCGACTTCAAGGAGGACGGCAACAT
A E V K F E G D T L V N R I E L K G I D F K E D G N I
570      580      590      600      610      620      630      640
CCTGGGGCACAAGCTGGAGTACAACCTACATCAGCCACAACGTCTATATCACCGCCGACAAGCAGAAGAAGCGGCATCAAG
L G H K L E Y N Y I S H N V Y I T A D K Q K N G I K
650      660      670      680      690      700      710      720
CCAACTTCAAGATCCGCCACAACATCGAGGACGGCAGCGTGCAGCTCGCCGACCCTACAGCAGAACACCCCATCGGC
A N F K I R H N I E D G S V Q L A D H Y Q Q N T P I G
730      740      750      760      770      780      790      800
GACGGCCCGTGTGCTGCCCGACAACCACTACCTGAGCACCCAGTCCGCCCTGAGCAAAGACCCCAACGAGAAGCGCGGA
D G P V L L P D N H Y L S T Q S A L S K D P N E K R D
810      820      830      840      850      860      BglIII NheI
TCACATGGTCCCTGCTGGAGTTTCGTGACCGCCCGGGGATCACTCTCGGCATGGACGAGCTGTACAAGAGATCTGCTAGC
H M V L L E F V T A A G I T L G M D E L Y K R S A S
GGG GGC GCC GGA GGA ATT AAT TCg agt agg aag aaa tgc aac ttt gct act acc cct att
G G A A G G I R V S R K K C N F A T T P I
tgt gag tat gat gga aat atg gtc tca ggt tac aag aaa gtg atg gcg aca att gat tcc
C E Y D G N M V S G Y K K V M A T I D S
ttc caa tct ttt aat aca agc act atg cac ttc act gat gaa agg ata gag tgg aaa gac
F Q A F N T S Y I H Y T D E Q I E W K D
cct gat gga atg cta agg gac cat ata aac att tta gta acg aag gac att gac ttt gat
P D G M L K D H L N I L V T K D I D F D
NarI      SpeI
act agc GGG GGC GCC GGA ACT AGT aca atg att tgt cca ttt tcc tct gat gat caa ttc
T S G G A G T S T M I C P F S S D D Q F
tgt tca aaa gtt ggt gta gtt cac caa aat gga aaa aga cgt ttg gct ctt gtc aag gac
C S K V G V V H Q N G K R R L A L V K D
XhoI/SalI PstI HindIII
aat cct ctt gat atc tcc ttc aac caa gtc cag taa ctc gac ctgcag aagctt
N P L D I S F N Q V Q STOP

```

Рис. 2. Последовательность трифункционального слитого гена, кодирующего производное пептида НТ, в составе конструкции рНК6

Подготовка образцов к хроматографии. Грубый клеточный лизат культуры TG1(рНК6) подвергали центрифугированию

при 8000 G. Осадок нерастворимой клеточной фракции трижды промывали: в 25 мл 4 М NaCl с добавлением 1% три-

тона, в 25 мл физиологического раствора с 1% тритоном и в 25 мл воды. Осадок суспендировали в 8 мл буфера (Трис-НСl, 10 мМ, рН = 8,6), содержащего 8 М мочевины и 0,1% β-меркаптоэтанол. Раствор кипятили на водяной бане в течение 10 минут и центрифугировали. Полученный осветленный супернатант наносили на гель-фильтрационную хроматографическую колонку с Sephadex G-25 fine со скоростью 5 мл/мин, используя жидкостную хроматографическую систему низкого давления «АКТА-Purifile» (GE Healthcare, США). Разделение проводили в буфере (Трис-НСl, 10 мМ, рН = 8,6), содержащем 4 М мочевины с целью удаления солей, избытка восстановителя и низкомолекулярных клеточных примесей. Солюбилизированный в денатурирующих условиях белок подвергли очистке с помощью анионообменной хроматографии.

Полученный после гель-фильтрации раствор денатурированного белка НК6 в объеме 15 мл наносили на анионообменную колонку Sepharose-Q (XL) (GE Healthcare, США, высота 24 см, объем 48 мл), уравновешенную буфером А. Элюцию проводили линейным градиентом NaCl от 0 до 0,5 М в хроматографическом буфере В (Трис-НСl, 10 мМ, рН = 8,6, 4 М мочевины, 1 М NaCl) со скоростью 8 мл/мин. Собранные фракции анализировали с помощью денатурирующего SDS-электрофореза в 15% ПААГ. Полученные осадки после солюбилизации анализировали электрофорезом в денатурирующих условиях (рис. 4).

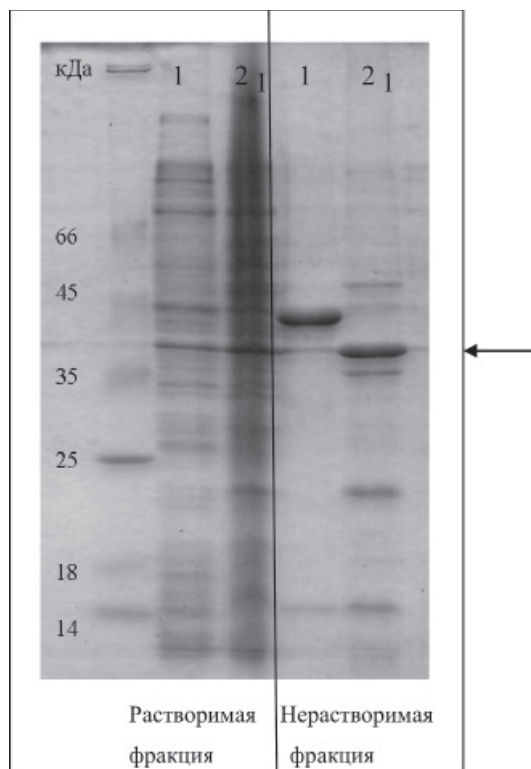


Рис. 3. Электрофоретический анализ продуктов экспрессии конструкции rНК6 в растворимой и нерастворимой фракции лизата клеток *E. coli* TG1, несущих: (1) вектор pQE30, (2) конструкцию rНК6. Белки разделены в денатурирующем 15% ПААГ и окрашены на общий белок Coomassie Blue R-250. Стрелкой указано расположение белка НК6 (расчетная масса 42 кДа)

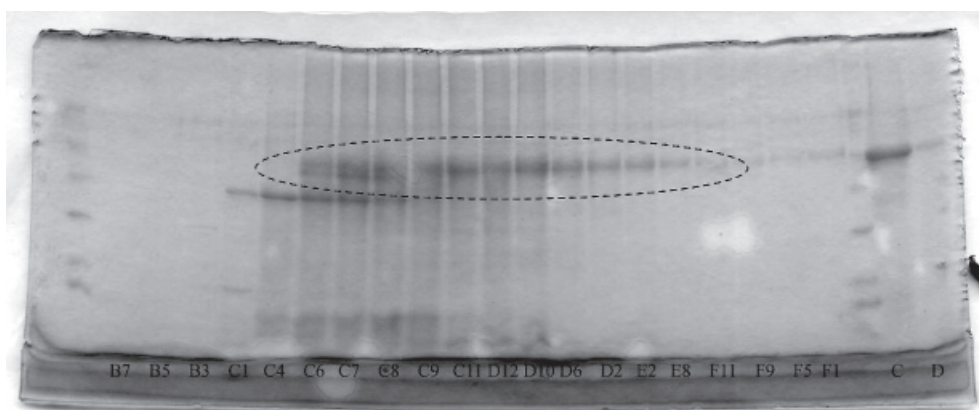


Рис. 4. Электрофоретический анализ фракций белка НК6 после ионообменной хроматографии в денатурирующих условиях. Белки разделены в денатурирующем 15% ПААГ и окрашены на общий белок Coomassie Blue R-250. Положение целевого белка массой 42 кДа обозначено пунктирным овалом. Для дальнейшей работы были отобраны фракции D6-F6. Материал фракций белка НК6, полученных в результате анионообменной хроматографии в денатурирующих условиях, был использован для проведения иммунохимических тестов (рис. 5)

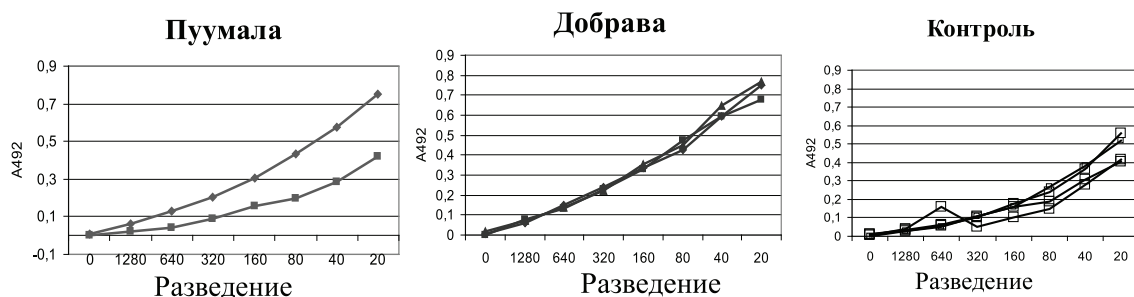


Рис. 5. Изучение антигенной активности белка НК6 методом непрямого твердофазного иммуноферментного анализа. Подписи «Пуумала» и «Добрава» означают вид вируса, которым инфицирован донор сыворотки, «Контроль» – сыворотки здоровых доноров

Исследования антигенной активности белка НК6. В качестве формата проведения анализа был выбран вариант тИФА с непосредственной сорбцией рекомбинантного белка-антигена НК6 на поверхность иммунологического планшета. В эксперименте использовались хроматографически очищенный белок НК6 в денатурированной форме. В процессе сорбции белковый препарат, хранящийся в виде концентрированных растворов в присутствии 4 М мочевины, разводили в 20–50 раз карбонат-бикарбонатным буфером (КГБ), доводя концентрацию общего белка в растворе до 10 мкг/мл. Полученный раствор вносили в иммунологические планшеты на 1 сутки, после чего проводили блокирование неспецифического связывания на подложке. Далее проводилось серийное титрование анализируемой сыворотки больных ГЛПС (или здоровых доноров в группе сравнения). При этом с целью исследования специфичности реакции в выборки сравнения включали

- больных ГЛПС, инфицированных вирусом Добрава;
- больных ГЛПС, инфицированных вирусом Пуумала;
- здоровых доноров.

В качестве контрольного образца использовали лунки планшета, в которые вместо разведенной сыворотки человека вносили буфер PBS («конъюгатный контроль»). В заключение все лунки планшета обрабатывали антивидовым конъюгатом против IgG человека, меченным пероксидазой, и субстратом ТМВ в присутствии пероксида водорода. Сигнал измеряли на планшетном сканере-спектрофотометре при $\lambda = 492$ нм. Результаты определенных представлены на рис. 5.

Заключение

Таким образом, в настоящей работе предложен способ получения хантавирусного антигена, кодируемого конструкцией рНК6. Результаты показывают высокую

реакционную способность антител положительных сывороток в отношении него. При этом сигналы положительных сывороток больных в 2–2,5 раза превышают сигнал сывороток здоровых доноров в том же разведении, что позволяет достоверно диагностировать наличие в крови людей специфических антител против вирусов Добрава и Пуумала.

Работа выполнена в рамках программы фундаментальных научных исследований государственных академий наук на 20013–2017 годы по теме № 240.

Список литературы/References

- Campos J.A., Aledo J.C., Segura J.A., Alonso F.J., Gómez-Fabre P.M., Núñez de Castro I., Márquez J. Expression of recombinant human L-glutaminase in *Escherichia coli*: polyclonal antibodies production and immunological analysis of mouse tissues // *Biochim. Biophys. Acta.* 2003. 1648(1–2): 17–23
- Cheong D.E., Choi J.H., Song J.J., Kim G.J. Construction of non-invasively constitutive expression vectors using a metagenome-derived promoter for soluble expression of proteins. – *Bioprocess Biosyst Eng.* 2013. Vol. 36, № 6, P. 667–676.
- Hepojoki J., Strandin T., Vaheri A., Lankinen H. Interactions and oligomerization of hantavirus glycoproteins – *J Virol.* 2010. Vol. 84, P. 227–242.
- Koch J., Liang M., Queitsch I., Kraus A.A., Bautz E.K. Human recombinant neutralizing antibodies against hantaan virus G2 protein. *Virology.* 2003. Vol. 308, № 1, P. 64–73.
- Samarkina O.N., Popova A.G., Gvozdk E.Y., Chkalina A.V., Zvyagin I.V., Rylova Y.V., Rudenko N.V., Lusta K.A., Kelmanson I.V., Gorokhovatsky A.Y. and Vinokurov L.M. Universal and rapid method for purification of GFP-like proteins by the ethanol extraction. – *Protein Expr. Purif.* 2009. Vol. 65, № 1, P. 108–113.

Рецензенты:

Морозов И.А., д.м.н., профессор, заместитель директора по научной работе, ФГБУ «Институт полиомиелита и вирусных энцефалитов имени М.П. Чумакова» Российской академии медицинских наук (ИПВЭ им. М.П. Чумакова РАМН), г. Москва;

Ребриков Д.В., д.б.н., директор по науке, ЗАО «НПФ ДНК-Технология», г. Москва.

Работа поступила в редакцию 19.07.2013.